

Addgene Plasmid Number 36230

pCY 3080-06

Forward Primer Homology (5' - 3')

GGTGACGGTGCTGGTTA

Reverse Primer Homology (5' - 3')

ATCGATGAATTCGAGCTCG

yEmCitrine (A206R)

ADH1 Terminator

URA3 (ATG)

Amp<sup>R</sup>

Stop Codons TAG TAA

XmaI CCGGG

PacI TTAATTAA

BamHI GGATCC

BssHII GCGCGC

BglII AGATCT

SacI GAGCTC

GAACGCGGCCGCCAGCTGAAGCTTCGTACGCTGCAGGTCGACGGATCCCCGGGTTAATTAAACGGTGACGGTGCTGGTTAATTAAAC  
ATGCTAAAGGTGAAGAATTATTCACCTGGTGTTGTCCCAATTTTGGTTGAATTAGATGGTGATGTTAATGGTCACAAATTTTCTGT  
CTCCGGTGAAGGTGAAGGTGATGCTACTTACGGTAAATTGACCTTAAATTTTATTTGTACTACTGGTAAATTGCCAGTTCCATGGC  
CAACCTTAGTCACTACTTTAGGTTATGGTTTGTATGTTTTGCTAGATACCCAGATCATATGAAACAACATGACTTTTTCAAGTCT  
GCCATGCCAGAAGGTTATGTTCAAGAAAGAACTATTTTTTCAAAGATGACGGTAACTACAAGACCAGAGCTGAAGTCAAGTTTGA  
AGGTGATACCTTAGTTAATAGAATCGAATTAAGGTTATTGATTTTAAAGAAGATGGTAACTTTTAGGTCACAAATTGGAATACA  
ACTATAACTCTCACAATGTTTACATCATGGCTGACAAAACAAAAGATGGTATCAAAGTTAACTTCAAATTAGACACAACATTGAA  
GATGGTTCTGTTCAATTAGCTGACCATTATCAACAAAATACTCCAATTGGTGATGGTCCAGCTTGTGTACCAGACAACCATTACTT  
ATCCTATCAATCTAGATTATCAAAGATCCAAACGAAAAGAGAGACCACATGGTCTTGTTAGAATTTGTTACTGCTGCTGGTATTA  
CCCATGGTATTGATGAATTGTACAAATAAGCGCGCCACTTCTAAATAAGCGAATTTCTTATGATTTATGATTTTTATTATTAAT  
AAGTTATAAAAAATAAGTGTATACAAATTTTAAAGTGACTCTTAGGTTTTTAAACGAAAATTTCTTATTCTTGAGTAACTCTTTC  
CTGTAGGTCAGGTTGCTTCTCAGGTATAGTATGAGGTCGCTCTTATTGACCACACCTCTACCGGCAGATCCGCTAGGGATAACAG  
GGTAATATAGATCTGGGGCTGGCTTAACTATGCGGCATCAGAGCAGATTGTACTGAGAGTGCACCACGCTTTTTCAATTCAATTCAT  
CATTTTTTTTTTATTCTTTTTTTTGGATTTCTTTGAAATTTTTTTGATTGCGGTAATCTCCGAACAGAAGGAAGAAGCAAGG  
AAGGAGCACAGACTTAGATTGGTATATATACGCATATGTAGTGTGAAGAAACATGAAATGCCCAGTATTCTTAAACCAACTGCA  
CAGAACAAAACCTGCAGGAAACGAAGATAAATCATGTCGAAAGCTACATATAAGGAACGTGCTGCTACTCATCTAGTCTGTG  
CTGCCAAGCTATTTAATATCATGCACGAAAAGCAACAACTTGTGTGCTTCATGGATGTTCTGACCACCAAGGAATTACTGGAG  
TTAGTTGAAGCATTAGGTCACAAATTTGTTTACTAAAAACACATGTGGATATCTTACTGATTTTTCCATGGAGGGCACAGTTAA  
GCCGCTAAAGGCATTATCCGCCAAGTACAATTTTTTACTCTTCGAAGACAGAAAATTTGCTGACATTTGGTAATACAGTCAAATTC  
AGTACTCTGCGGGTGTATACAGAATAGCAGAATGGGCAGACATTACGAATGCACACGGTGTGGTGGGCCAGGTATTTGTTAGCGGT  
TTGAAGCAGGCGGCAGAAGAAGTAAACAAAGGAACCTAGAGGCCTTTTGATGTTAGCAGAATTGTATGCAAGGGCTCCCTATCTAC  
TGGAGAATATACTAAGGGTACTGTTGACATTGCGAAGAGCAGCAAAAGATTTTGTATCGGCTTTTATGCTCAAAGAGACATGGGTG  
GAAGAGATGAAGGTTACGATTGGTTGATTATGACACCCGGTGTGGTTTTAGATGACAAGGGAGACGATTGGGTCAACAGTATAGA  
ACCGTGGATGATGTGGTCTCTACAGGATCTGACATTATTATTGTTGGAAGAGGACTATTTGCAAAGGAAGGGATGCTAAGGTAGA  
GGGTGAACGTTACAGAAAAGCAGGCTGGGAAGCATATTTGAGAAGATGCGGCCAGCAAAACATAAAAAGTATTATAAGTAAATG  
CATGTATACTAAACTCACAATTTAGAGCTTCAATTTAATTATATCAGTTATTACCTGCGGTGTGAAATACCGCACAGATGCGTAA  
GGAGAAAATACCGAGCTCGAATTCATCGATGATATCAGATCCACTAGTGGCCTATGCGGCCGCGGATCTGCCGCTCTCCCTATAG  
TGAGTCGTATTAATTTTCGATAAGCCAGGTTAACCTGCATTAATGAATCGGCCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTTCGCTATTGGCCG  
CTCTTCCGCTTCTCTCGCTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTGCTTCCGCTGCGGCCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCGGTAATAC  
GGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAGAACATGTGAGCAAAGGCCAGCAAAGGCCAGGAACCGTAAAAAGGCCGCG  
TTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTCCGCCCCCTGACGAGCATCACAATAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACAGG  
ACTATAAAGATAACAGGCGTTTTCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCCTCTCTGTTCCGACCTGCGGCTTACCGGATACCTGTCCG  
CCTTCTCCCTTCCGGAAGCGTGGCGCTTCTCAATGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCGGTGTAGGTGCTTCCGCTCAAGCTG  
GGCTGTGTGCACGAACCCCGTTCAGCCGACCGCTGCGCTTATCCGGTAACTATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAAGACACGA  
CTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTGGTAAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGC  
CTAATACGGCTACACTAGAAGGACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAAGAGTTGGTAGCTCT  
TGATCCGGCAAACAACCACCGCTGGTAGCGGTGGTTTTTTTTGTTTGAAGCAGCAGATTACGCGCAGAAAAAAGGATCTCAAGA  
AGATCCTTTGATCTTTCTACGGGGTCTGACGCTCAGTGAACGAAAACACGTTAAGGGATTTTGGTCATGAGATTATCAAAAA

GGATCTTCACCTAGATCCTTTTTAAATTA AAAATGAAGTTTTAAATCAATCTAAAGTATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTTAC  
CAATGCTTAATCAGTGAGGCACCTATCTCAGCGATCTGTCTATTTGTTTCATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGTGTAGATAAC  
TACGATACGGGAGGGCTTACCATCTGGCCCCAGTGTGCAATGATACCGCGAGACCCACGCTCACCGGCTCCAGATTTATCAGCAA  
TAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGCGCAGAAGTGGTCTGCAACTTTATCCGCTCCATCCAGTCTATTAATTGTTGCCGGGAA  
GCTAGAGTAAGTAGTTCGCCAGTTAATAGTTTTCGCGAACGTTGTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTACGCTCGTCTGTTTGG  
TATGGCTTCATTCAGTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACATGATCCCCATGTTGTGCAAAAAAGCGTTAGCTCCTTCG  
GTCCCTCCGATCGTTGTCAGAAGTAAGTTGGCCGCAGTGTATCACTCATGGTTATGGCAGCAGTGCATAATTCCTTACTGTCATG  
CCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTCAACCAAGTCATTCTGAGAATAGTGTATGCGGGCAGCCGAGTTGCTCCTG  
CCCCGCGTCAATACGGGATAATACCGCGCCACATAGCAGAAGTTTAAAAGTGTCTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAAC  
TCTCAAGGATCTTACCGCTGTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGATCTTCAGCATCTTTTACTTTCCAC  
AGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGCAAAATGCCGCAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAAATGTTGAATACTCATACT  
CTTCCTTTTTCAATATTATTGAAGCATTATCAGGGTTATTGTCTCATGAGCGGATACATATTTGAATGTATTTAGAAAAATAAAC  
AAATAGGGGTTCCGCGCACATTTCCCCGAAAAGTGCCACCTGACGTCTAAGAAACCATTTATTATCATGACATTAACCTATAAAAAAT  
AGGCGTATCACGAGGCCCTTTTCGTCTCGCGCGTTTCGGTGATGACGGTGAAAACCTCTGACACATGCAGCTCCCGGAGACGGTCCAC  
AGCTTGCTGTGTAAGCGGATGCCGGGAGCAGACAAGCCCGTCAGGGCGGTCAGCGGGTGTGGCGGGTGTGGGGCTGGCTTAACT  
ATGCGGCATCAGAGCAGATTGTAAGTGCAGAGTGCACCATATGGACATATTGTCGTTAGAACGCGGCTACAATTAATACATAACCTTA  
TGTATCATAACATACGATTTAGGTGACACTATA