

20 40 60
CGNANGNTTAYTWAGCTNMCWVKGGGGGTTCTCATCATCATCATCATGGTATGGCT

- AboxNLST7.seq ▶
- AboxNLSBGHR.seq ◀
- Abox+NLS#1R.seq ◀
- Abox+NLS#1F.seq ▶
- mouse ELK1 cDNA A box ▶

CGNANGNTTACTTAGCTNCCATGGGGGGTTCATCATCATCATCATCATGGTATGGCT
TTAAGCTTACCATGGGGGGTTCATCATCATCATCATCATGGTATGGCT
AAGCTTACCATGGGGGGTTCATCATCATCATCATCATGGTATGGCT
ATGGGGGGTTCATCATCATCATCATCATGGTATGGCT

6xHis

80 100 120
AGCATGACTGGTGGACAGCAAATGGGTCGGGATCTGTACGACGATGACGATAAGGTACCC

- AboxNLST7.seq ▶
- AboxNLSBGHR.seq ◀
- Abox+NLS#1R.seq ◀
- Abox+NLS#1F.seq ▶
- mouse ELK1 cDNA A box ▶

AGCATGACTGGTGGACAGCAAATGGGTCGGGATCTGTACGACGATGACGATAAGGTACCC
AGCATGACTGGTGGACAGCAAATGGGTCGGGATCTGTACGACGATGACGATAAGGTACCC
AGCATGACTGGTGGACAGCAAATGGGTCGGGATCTGTACGACGATGACGATAAGGTACCC
AGCATGACTGGTGGACAGCAAATGGGTCGGGATCTGTACGACGATGACGATAAGGTACCC

140 160 180
ATGGACCCATCTGTGACGCTGTGGCAGTTTCTGCTGCAGCTTCTGAGAGAACAAGGTAAT

- AboxNLST7.seq ▶
- AboxNLSBGHR.seq ◀
- Abox+NLS#1R.seq ◀
- Abox+NLS#1F.seq ▶
- mouse ELK1 cDNA A box ▶

ATGGACCCATCTGTGACGCTGTGGCAGTTTCTGCTGCAGCTTCTGAGAGAACAAGGTAAT
ATGGACCCATCTGTGACGCTGTGGCAGTTTCTGCTGCAGCTTCTGAGAGAACAAGGTAAT
ATGGACCCATCTGTGACGCTGTGGCAGTTTCTGCTGCAGCTTCTGAGAGAACAAGGTAAT
ATGGACCCATCTGTGACGCTGTGGCAGTTTCTGCTGCAGCTTCTGAGAGAACAAGGTAAT

→ A box.

200 220 240
GGCCACATCATCTCCTGGACCTCACGGGATGGTGGTGAAGTTGGTGGATGCAGAG

- AboxNLST7.seq ▶
- AboxNLSBGHR.seq ◀
- Abox+NLS#1R.seq ◀
- Abox+NLS#1F.seq ▶
- mouse ELK1 cDNA A box ▶

GGCCACATCATCTCCTGGACCTCACGGGATGGTGGTGAAGTTGGTGGATGCAGAG
GGCCACATCATCTCCTGGACCTCACGGGATGGTGGTGAAGTTGGTGGATGCAGAG
GGCCACATCATCTCCTGGACCTCACGGGATGGTGGTGAAGTTGGTGGATGCAGAG
GGCCACATCATCTCCTGGACCTCACGGGATGGTGGTGAAGTTGGTGGATGCAGAG
GGCCACATCATCTCCTGGACCTCACGGGATGGTGGTGAAGTTGGTGGATGCAGAG

260 280 300
GAGGTGGCCCGGCTATGGGGACTGCGCAAGAACAAGACCAACATGAATTACGACAAGCTT

- AboxNLST7.seq ▶
- AboxNLSBGHR.seq ◀
- Abox+NLS#1R.seq ◀
- Abox+NLS#1F.seq ▶
- mouse ELK1 cDNA A box ▶

GAGGTGGCCCGGCTATGGGGACTGCGCAAGAACAAGACCAACATGAATTACGACAAGCTT
GAGGTGGCCCGGCTATGGGGACTGCGCAAGAACAAGACCAACATGAATTACGACAAGCTT
GAGGTGGCCCGGCTATGGGGACTGCGCAAGAACAAGACCAACATGAATTACGACAAGCTT
GAGGTGGCCCGGCTATGGGGACTGCGCAAGAACAAGACCAACATGAATTACGACAAGCTT
GAGGTGGCCCGGCTATGGGGACTGCGCAAGAACAAGACCAACATGAATTACGACAAGCTT